

「バイオ情報学-パーソナルゲノム解析から生体シミュレーションまで-
(電子情報通信レクチャーシリーズD-23)」 正誤表

頁	箇所	誤	正
18	図2.3	<p>正</p> <pre> xxxTTxxxxxx AAGAATGCATGCA ↓ xxxTT AAGAATGCATGCA ↓ 連結酵素 xxxTTxxxTxxxx AAGAATGCATGCA (a) </pre> <p>B: AA GG TT CC G: AC CA GT TG O: AG GA TC CT R: AT TA GC CG</p> <p>Match BRGR... BRGR... TTACGTACGT</p> <p>SNP(A→G) BRGR... BGRR... TTGCGTACGT</p> <p>↓↓↓↓↓ BRGR...</p> <p>Error BRGR... BRRR...</p> <p>(a) (b) (c)</p>	
	図説の2行目	誤 2塩基ごとに対応した	正 2塩基ごとの情報を符号化した
25	上から7行目	それぞれ, 374 355個, 137 526個, 17 217 個の	合計 534 223個の
29	上から9行目	(Aaに関係しない)	(Aaに関係しない)
50	下から16行目	McClintick, j. N.	McClintick, J. N.
	下から5行目	既知遺伝子の間に	既知遺伝子の間の配列に
70	下から1行目	フラックスを	反応を
71	上から1~2行目	反応(フラックス)では,	反応では,
	上から3行目	このようなフラックスにおける	このような反応における
	下から1行目	フラックスに	反応に
72	上から3, 5, 14行目	v	v
	上から10行目	$SV=0$ であることを	$Sv_{ss}=0$ であることを
	上から10~11行目	フラックスの分布を	フラックスの分布 v_{ss} を
	下から6行目	$Xs=0$ となる	$x_{ss}=0$ となる
	下から5, 6行目	X_{ss}	x_{ss}
73	図7.3ならびに図説	U, V, W	u, v, w
124	上から18行目	誤 http://mext-life.jp/genome/index.html (2009年3月現在)	
		正 http://genomenetwork.nig.ac.jp/ (2009年6月現在)	
156	上から3~4行目	遺伝子変異解析, トランスクリプトーム解析,	ゲノム変異解析, 疾患関連遺伝子探索, トランスクリプトーム解析,
156	下から6行目	ゲノムから薬物相互作用解析までの	パーソナルゲノム解析から生体シミュレーションまでの